

Vrijeme izvoza: 23.04.2024. 18:01:12

Repozitorij: repozitorij.unizg.hr

Ukupan broj zapisa na URL-u: 36

Broj izvezenih zapisa: 36

Naslov	URL	Autori	Naslov izvornika
Metode procjene genomskog inbridinga		Čavlović, Filip	
Optimizacija modularnog sustava ekspresijskih vektora za primjenu CRISPR/Cas9 tehnologije u kulturi animalnih stanica		Bračun, Bruno	
Identifikacija signala pozitivne selekcije u genomu pastirskih pasa		Glavaš, Vjeran	
Identifikacija signala pozitivne selekcije u genomu hrvatskih ovaca		Shihabi, Mario	
Darwinova teorija evolucije i selekcija kod životinja		Stergar, Dora	
Procjena DNA ROH segmenata iz simuliranih podataka putem HMM i klasičnih programskih paketa		Strelar, Kristina	
Procjena i usporedba raznolikosti različitih populacija kokoši putem genomske informacije		Jurić, Tea	
Usporedba metoda procjene inbreedinga iz DNA ROH segmenata kod kokoši		Bošković, Boško	
Usporedba modela laktacijskih krivulja u ovaca		Barković, Sara	
Analiza varijabilnosti cijelog mitogenoma kože		Radović, Lara	
Procjena DNA ROH segmenta pomoću metode skrivenog Markovljevog modela		Katić, Iva	
Procjena efektivne veličine populacije iz vezanih i nevezanih gena		Došen, Valentina	
Procjena genetske korelacije između binarne i normalne varijable koristeći GLIMMIX SAS proceduru		Ćosić, Mateja	
Provjera procjene efektivne veličine populacije putem simuliranih genomskih podataka		Soro, Filip	
Provjera točnosti određivanja faze haplotipa putem simuliranih genomskih podataka		Glunčić, Tea	
Utjecaj štetnih mutacija u uzgoju mliječnih goveda s osvrtom na APAF1 gen		Popijač, Vedrana	
Primjena makro naredbi i varijabli u stočarstvu koristeći SAS program		Lovrić, Mateja	
Usporedba grafičkih procedura u prikazu podataka u stočarstvu koristeći SAS program		Papišta, Sven	

Segmenti mitohondrijske DNA u genomu stanične jezgre goveda		Andjel, Lucija	
Nasljedne bolesti uzrokovane mutacijama u mitogenomu goveda		Begić, Zdravko	
Forenzička analiza pasminske pripadnosti na temelju sekvence mitogenoma pasa		Cerovec, Kristina	
Vizualizacija "Runs of Homozygosity" DNA segmenata		Hrženjak, Marko	
Značaj gena glavnog sustava tkivne podudarnosti preživača		Zelko, Krunoslav	
Povijest, sadašnjost i izazovi procjene aditivne varijance		Jašinski, Martina	
Uloga PRDM9 gena u procesu rekombinacije DNA		Matijević, Magdalena	
Usporedba bioloških svojstava triju uzgojnih linija sive pčele (<i>Apis mellifera carnica</i> P. 1879)		Nikšić, Maja	
Detekcija visoko heterozigotnih regija u genomu goveda		Mercvajler, Mario	
Geografska raznolikost mitohondrijske DNA smeđeg medvjeda (<i>Ursus arctos</i>)		Janeš, Jakob	
Varijabilnost mitohondrijske DNA goveda		Duvnjak, Ivana	
Genomska procjena inbridinga na temelju markera spolnih kromosoma		Šantek, Martina	
Procjena genetskih parametara binomne varijable koristeći GLIMMIX SAS proceduru		Matanović, Sara	
Utjecaj veličine uzorka na procjenu "linkage disequilibrium" efektivne veličine u populacijama goveda		Karapandža, Nina	
Genomska analiza nasljeđivanja displazije kukova čistokrvnih pasmina pasa		Andjel, Lucija	
Genetička varijabilnost divljeg kunića (<i>O. cuniculus</i>) u Republici Hrvatskoj		Kaštelanac, Ivan	
Genetička varijabilnost zeca (<i>L. europeus</i>) u Republici Hrvatskoj		Beljan, Silvestar	
Molecular dissection of inbreeding depression for semen quality traits in cattle		Ferenčaković, Maja	